

	Pair	CI (low)	CI (high)	diff	P-Value	log2FC(array)
Both replicates significantly changed in the same direction as array						
Ankrd34b	Diras2_1	1.97	2.42	2.19	<1.00E-08	1.316666667
	Diras2_2	1.55	1.99	1.77	<1.00E-08	
Calcr	Diras2_1	1.61	2.54	2.07	1.70E-07	1.376666667
	Diras2_2	0.90	1.84	1.37	1.99E-05	
Clasp2	Diras2_1	1.49	2.08	1.79	<1.00E-08	1.693333333
	Diras2_2	1.61	2.20	1.91	<1.00E-08	
Clns1a	Diras2_1	-1.42	-0.61	-1.02	9.53E-05	-1.383333333
	Diras2_2	-2.61	-1.80	-2.21	1.00E-08	
Cpne8	Diras2_1	-1.90	-0.96	-1.43	1.43E-05	-1.51
	Diras2_2	-2.95	-2.01	-2.48	2.00E-08	
Ctdsp2	Diras2_1	-0.84	-0.30	-0.57	5.18E-04	-1.156666667
	Diras2_2	-2.15	-1.60	-1.88	<1.00E-08	
Eif2c2	Diras2_1	1.47	2.09	1.78	<1.00E-08	1.87
	Diras2_2	1.64	2.26	1.95	<1.00E-08	
Epm2a	Diras2_1	0.42	1.18	0.80	4.81E-04	1.05
	Diras2_2	0.63	1.39	1.01	5.50E-05	
Fktn	Diras2_1	1.04	1.84	1.44	1.93E-06	2.17
	Diras2_2	1.61	2.41	2.01	3.00E-08	
Grb10	Diras2_1	1.01	1.88	1.45	4.93E-06	2.103333333
	Diras2_2	1.52	2.39	1.95	1.40E-07	
Grin2a	Diras2_1	0.52	1.34	0.93	2.58E-04	1.256666667
	Diras2_2	0.71	1.53	1.12	4.23E-05	
Ipo4	Diras2_1	0.45	1.12	0.79	1.89E-04	1.136666667
	Diras2_2	0.76	1.43	1.09	6.44E-06	
Kcna3	Diras2_1	0.93	1.58	1.26	8.40E-07	1.046666667
	Diras2_2	0.62	1.27	0.95	2.05E-05	
Kcnh1	Diras2_1	0.72	1.83	1.27	2.29E-04	1.396666667
	Diras2_2	0.90	2.02	1.46	6.27E-05	
Kcnj3	Diras2_1	1.08	1.55	1.31	<1.00E-08	1.163333333
	Diras2_2	0.71	1.17	0.94	4.80E-07	
Kdm3b	Diras2_1	-1.48	-0.83	-1.16	2.12E-06	-1.193333333
	Diras2_2	-2.39	-1.75	-2.07	<1.00E-08	
Lnp	Diras2_1	1.16	1.60	1.38	<1.00E-08	1.323333333
	Diras2_2	1.13	1.58	1.36	<1.00E-08	
Lonrf2	Diras2_1	1.09	1.62	1.36	3.00E-08	1.796666667
	Diras2_2	1.51	2.03	1.77	<1.00E-08	
Map3k2	Diras2_1	0.55	0.83	0.69	4.00E-08	1.17
	Diras2_2	0.65	0.93	0.79	<1.00E-08	
Mettl9	Diras2_1	-1.19	-0.45	-0.82	2.86E-04	-1.466666667
	Diras2_2	-2.65	-1.91	-2.28	<1.00E-08	
Mfsd11	Diras2_1	-1.71	-1.32	-1.52	<1.00E-08	-1.9
	Diras2_2	-3.18	-2.78	-2.98	<1.00E-08	
Mpp5	Diras2_1	0.52	1.43	0.97	4.11E-04	1.223333333
	Diras2_2	1.22	2.12	1.67	1.59E-06	
Purb	Diras2_1	1.53	2.22	1.88	1.00E-08	1.543333333
	Diras2_2	1.03	1.72	1.37	6.50E-07	
Rgs17	Diras2_1	1.42	2.23	1.83	1.30E-07	1.413333333
	Diras2_2	1.23	2.03	1.63	5.30E-07	

Rrm2	Diras2_1	1.50	2.67	2.09	2.30E-06	1.59
	Diras2_2	2.44	3.61	3.03	3.00E-08	
Samd12	Diras2_1	-1.13	-0.42	-0.77	3.85E-04	-1.57666667
	Diras2_2	-2.71	-1.99	-2.35	<1.00E-08	
Setd7	Diras2_1	1.84	2.62	2.23	<1.00E-08	2.29
	Diras2_2	3.00	3.79	3.39	<1.00E-08	
Tbc1d14	Diras2_1	1.43	2.17	1.80	5.00E-08	1.81
	Diras2_2	2.07	2.81	2.44	<1.00E-08	
Tpi1	Diras2_1	1.10	1.48	1.29	<1.00E-08	1.26333333
	Diras2_2	1.19	1.57	1.38	<1.00E-08	
Tppp	Diras2_1	0.86	2.30	1.58	3.36E-04	1.72
	Diras2_2	1.09	2.53	1.81	9.74E-05	
Ubqln1	Diras2_1	-1.20	-0.46	-0.83	2.83E-04	-1.22
	Diras2_2	-2.73	-1.99	-2.36	<1.00E-08	
Unc80	Diras2_1	0.79	1.78	1.28	7.08E-05	1.98
	Diras2_2	1.81	2.80	2.31	9.00E-08	
Usp8	Diras2_1	-0.89	-0.44	-0.66	1.65E-05	-1.17666667
	Diras2_2	-2.11	-1.67	-1.89	<1.00E-08	

One of the replicates significantly different, the other nominally significant

Alg11	Diras2_1	0.13	1.26	0.70	0.01913	1.18666667
	Diras2_2	0.72	1.85	1.28	2.42E-04	
Cdkn2aipnl	Diras2_1	0.39	1.44	0.92	0.00228	1.36
	Diras2_2	0.88	1.94	1.41	5.31E-05	
Chrna7	Diras2_1	-0.86	-0.07	-0.47	0.02387	-1.65333333
	Diras2_2	-3.15	-2.36	-2.75	<1.00E-08	
Cntfr	Diras2_1	-0.71	-0.10	-0.41	0.01231	-1.60333333
	Diras2_2	-2.90	-2.29	-2.59	<1.00E-08	
Cntnap5a	Diras2_1	0.50	1.31	0.90	2.96E-04	1.14333333
	Diras2_2	0.22	1.03	0.63	0.00512	
Epha3	Diras2_1	-1.22	-0.42	-0.82	6.43E-04	-1.14333333
	Diras2_2	-2.69	-1.89	-2.29	<1.00E-08	
Gnal	Diras2_1	0.31	2.40	1.36	0.01450	2.02
	Diras2_2	1.46	3.55	2.51	1.48E-04	
Guk1	Diras2_1	-0.91	-0.10	-0.51	0.01774	-1.24
	Diras2_2	-3.01	-2.20	-2.61	<1.00E-08	
Lin7c	Diras2_1	-1.21	-0.29	-0.75	0.00363	-1.15333333
	Diras2_2	-2.28	-1.36	-1.82	7.30E-07	
Nacc1	Diras2_1	-1.30	-0.21	-0.76	0.01027	-1.17333333
	Diras2_2	-2.42	-1.33	-1.87	3.62E-06	
Nudt3	Diras2_1	0.38	1.16	0.77	0.00083	1.10666667
	Diras2_2	0.76	1.54	1.15	1.91E-05	
Ppp1r9a	Diras2_1	0.17	0.91	0.54	0.00749	1.11333333
	Diras2_2	0.67	1.41	1.04	3.28E-05	
Pxk	Diras2_1	-0.48	-0.11	-0.29	0.00475	-1.31333333
	Diras2_2	-1.92	-1.55	-1.73	<1.00E-08	
Rab3d	Diras2_1	0.28	1.27	0.77	0.00488	1.18
	Diras2_2	0.94	1.93	1.43	2.42E-05	
Rictor	Diras2_1	0.14	0.46	0.30	0.00144	1.15333333
	Diras2_2	0.70	1.02	0.86	2.00E-08	
Serinc5	Diras2_1	0.15	1.99	1.07	0.02602	1.67666667

	Diras2_2	0.70	2.54	1.62	0.00203	
Siah3	Diras2_1	-1.29	-0.04	-0.66	0.03810	-2.45666667
	Diras2_2	-3.94	-2.70	-3.32	2.00E-08	
	Diras2_1	-0.97	-0.21	-0.59	0.00501	-1.55666667
Slc30a9	Diras2_2	-2.80	-2.05	-2.42	<1.00E-08	
	Diras2_1	-2.58	-0.83	-1.71	9.33E-04	-1.45666667
	Diras2_2	-3.07	-1.32	-2.20	9.78E-05	
Trak2	Diras2_1	0.26	1.35	0.81	0.00701	1.18333333
	Diras2_2	0.87	1.96	1.41	7.34E-05	
Trappc9	Diras2_1	-0.52	-0.03	-0.28	0.03156	-1.37333333
	Diras2_2	-2.47	-1.97	-2.22	<1.00E-08	
	Diras2_1	0.29	1.10	0.69	0.00236	1.68666667
Trp53inp1	Diras2_2	1.21	2.01	1.61	6.10E-07	

One of the replicates significantly different, the other not significant

App	Diras2_1	-0.89	0.15	-0.37	0.14978	-1.59333333
	Diras2_2	-3.60	-2.56	-3.08	<1.00E-08	
Cacna1d	Diras2_1	-0.05	1.01	0.48	0.07476	1.06666667
	Diras2_2	0.57	1.64	1.10	5.71E-04	
Cdh13	Diras2_1	-1.67	0.05	-0.81	0.06216	-1.10666667
	Diras2_2	-2.82	-1.10	-1.96	2.41E-04	
Clock	Diras2_1	-0.30	0.31	0.01	0.97222	1.45
	Diras2_2	0.34	0.96	0.65	5.13E-04	
Crhbp	Diras2_1	-2.43	0.15	-1.14	0.07787	-2.73666667
	Diras2_2	-4.83	-2.25	-3.54	3.89E-05	
Diras1	Diras2_1	-1.69	0.34	-0.68	0.17364	-1.34666667
	Diras2_2	-7.04	-5.01	-6.02	<1.00E-08	
Hap1	Diras2_1	-0.52	0.02	-0.25	0.06446	-1.04333333
	Diras2_2	-1.89	-1.35	-1.62	<1.00E-08	
Ndufv1	Diras2_1	-0.41	0.03	-0.19	0.08364	-1.67666667
	Diras2_2	-3.37	-2.94	-3.15	<1.00E-08	
Pde7a	Diras2_1	-0.01	0.50	0.24	0.06075	1.08
	Diras2_2	0.86	1.37	1.11	2.10E-07	
Pip4k2b	Diras2_1	-0.79	0.33	-0.23	0.39348	-1.55666667
	Diras2_2	-2.62	-1.50	-2.06	1.50E-06	
Ralyl	Diras2_1	-0.83	0.08	-0.37	0.10281	-1.68333333
	Diras2_2	-3.11	-2.20	-2.66	<1.00E-08	
Rnf38	Diras2_1	-0.55	0.02	-0.27	0.06261	-1.35333333
	Diras2_2	-2.76	-2.20	-2.48	<1.00E-08	
Syt13	Diras2_1	-1.03	0.13	-0.45	0.12027	-1.24
	Diras2_2	-3.20	-2.03	-2.61	1.50E-07	
Wls	Diras2_1	-0.94	0.65	-0.15	0.69935	-1.24
	Diras2_2	-2.47	-0.88	-1.68	4.64E-04	

one of the replicates nominally significant

1110005A03Rik	Diras2_1	0.13	0.80	0.46	0.01082	0.51
	Diras2_2	-0.05	0.63	0.29	0.08692	
Nmbr	Diras2_1	-1.82	1.43	-0.19	0.80147	-2.82333333
	Diras2_2	-4.85	-1.60	-3.22	0.00081	
Snapin	Diras2_1	-0.90	-0.05	-0.47	0.03113	-1.39
	Diras2_2	-0.74	0.11	-0.31	0.13464	
Tac1	Diras2_1	-2.30	0.18	-1.06	0.08772	-1.97666667

	Diras2_2	-3.74	-1.26	-2.50	7.13E-04	
Not significant, but same direction as array						
Nos1	Diras2_1	-1.18	2.05	0.44	0.57207	1.01
	Diras2_2	-0.96	2.26	0.65	0.40191	
Opposite direction of array						
Anks1	Diras2_1	-1.38	-0.92	-1.15	4.00E-08	1.10666667
	Diras2_2	-0.75	-0.30	-0.52	2.31E-04	
Tgfb1	Diras2_1	-1.43	0.55	-0.44	0.35805	0.07666667
	Diras2_2	-1.56	0.42	-0.57	0.23837	
Replicates are in opposite direction (i.e. one up- the other downregulated)						
Amph	Diras2_1	-0.33	1.04	0.36	0.27969	-1.23333333
	Diras2_2	-2.60	-1.23	-1.92	3.26E-05	
Elmod2	Diras2_1	-0.12	0.38	0.13	0.28372	-1.29333333
	Diras2_2	-2.19	-1.69	-1.94	<1.00E-08	
Idh3a	Diras2_1	-0.57	1.32	0.37	0.40839	-1.08333333
	Diras2_2	-2.23	-0.35	-1.29	0.01082	
Pcdhb6	Diras2_1	-0.66	0.06	-0.30	0.09760	1.2
	Diras2_2	1.00	1.72	1.36	1.23E-06	
Pcdhb11	Diras2_1	-0.56	0.23	-0.16	0.39100	1.06666667
	Diras2_2	0.55	1.35	0.95	1.61E-04	
Pcdhb21	Diras2_1	-0.98	0.27	-0.36	0.24340	1.02
	Diras2_2	-0.01	1.24	0.61	0.05481	
Pdgfra	Diras2_1	-2.78	2.01	-0.39	0.73470	2.8
	Diras2_2	0.37	5.16	2.76	0.02678	
Prph	Diras2_1	-1.32	0.99	-0.17	0.76098	1.08
	Diras2_2	0.60	2.91	1.75	0.00575	
Rapgef5	Diras2_1	-0.82	1.54	0.36	0.52247	-1.35
	Diras2_2	-2.54	-0.18	-1.36	0.02659	
Rhof	Diras2_1	-0.46	0.72	0.13	0.63633	-1.03
	Diras2_2	-2.38	-1.20	-1.79	1.40E-05	
Slc6a6	Diras2_1	-0.44	0.46	0.01	0.95576	-1.72666667
	Diras2_2	-2.91	-2.02	-2.46	1.00E-08	

Same direction as array?

Yes



Yes

No

No

NA

NA